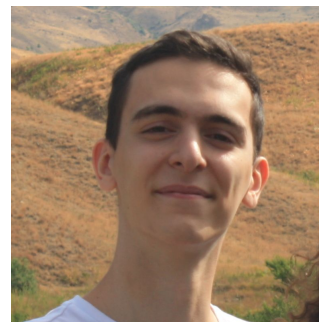


Нерсисян Степан Ашотович

E-mail: s.a.nersisyan@gmail.com

Телефон: +7 (985) 125-23-00

Дата и место рождения: 30/11/1997, Москва, Россия



Образование

2015 – настоящее время — студент механико-математического факультета Московского государственного университета имени М.В. Ломоносова (год выпуска: 2021). Средний балл: 5.0.

Опыт работы

2020 – настоящее время — младший научный сотрудник, международная лаборатория микрофизиологических систем, факультет биологии и биотехнологии, национальный исследовательский университет «Высшая школа экономики», Москва, Россия.

Обязанности: исследования в области биоинформатики.

2019 – 2020 — стажер-исследователь, НТЦ Биоклиникум, Москва, Россия.

Обязанности: исследования в области биоинформатики.

2017 – 2018 — исследователь, Tauber Bioinformatics Research Center, Хайфский университет, Израиль.

Обязанности: исследования и разработка программного обеспечения в области биоинформатики и вирусологии (в частности, в рамках программы DARPA INTERCEPT); проведение образовательных лекций и семинаров в области биоинформатики (есть опыт в нескольких университетах США).

2015 – настоящее время — преподаватель математики и программирования на языке Python в вечерней математической школе при факультете вычислительной математики и кибернетики Московского государственного университета имени М.В. Ломоносова.

Ключевые навыки

- Применение статистических методов и моделей машинного обучения к задачам молекулярной биологии;

- Анализ «омикс»-данных;
- Знания в разнообразных математических областях;
- Способность быстро адаптироваться к новым задачам;
- Способность ясно доносить материал во время презентаций, лекций и семинаров.

Научные интересы

Биоинформатика, машинное обучение, прикладная статистика, «omics»-данные, микроРНК.

Навыки программирования

- Глубокое знание языка программирования Python и его приложений к анализу данных (scikit-learn, SciPy, NumPy, Pandas, Matplotlib, Seaborn);
- Опыт работы с языками программирования R, Wolfram Language, C / C++, JavaScript;
- Уверенное пользование операционной системой Linux, знание Bash / coreutils;
- Навыки работы с основными биоинформатическими программами по анализу «omics»-данных: Cutadapt, Trimmomatic, BWA, STAR, Bowtie, SAMtools, BEDtools, edgeR, DESeq2 и другие;
- Опыт работы с базами данных MongoDB, PostgreSQL;
- Системы контроля версий Git / Mercurial.

Языки

Русский, английский, армянский.

Избранные публикации

- **S. Nersisyan**, M. Shkurnikov, A. Poloznikov, A. Turchinovich, B. Burwinkel, N. Anisimov, and A. Tonevitsky. A Post-Processing Algorithm for miRNA Microarray Data. *International Journal of Molecular Sciences*, 21(4), 2020.
- A. V. Galatenko, **S. A. Nersisyan**, and D. N. Zhuk. NP-hardness of the Problem of Optimal Box Positioning. *Mathematics*, 7(8), 2019.
- M. Shkurnikov, S. Nikulin, **S. Nersisyan**, A. Poloznikov, S. Zaidi, A. Baranova, U. Schumacher, D. Wicklein, and A. Tonevitsky. LAMA4-Regulating miR-4274 and Its Host Gene SORCS2 Play a Role in IGFBP6-Dependent Effects on Phenotype of Basal-Like Breast Cancer. *Frontiers in Molecular Biosciences*, 6:122, 2019.
- C. K. Pfaller, R. C. Donohue, **S. Nersisyan**, L. Brodsky, and R. Cattaneo. Extensive editing of cellular and viral double-stranded RNA structures accounts for innate immunity suppression and the proviral activity of ADAR1p150. *PLoS Biology*, 16(11), 2018.
- **S. A. Nersisyan**, V. V. Pankratieva, V. M. Staroverov, and V. E. Podolskii. A Greedy Clustering Algorithm Based on Interval Pattern Concepts and the Problem of Optimal Box Positioning. *Journal of Applied Mathematics*, 2017.